

DERS TANITIM ve UYGULAMA BİLGİLERİ

Dersin Adı	Kodu	Yarıyıl	T+U+L (saat/hafta)	Türü (Z / S)	Yerel Kredi	AKTS
Yapısal Biyoinformatik	MBG 428	Bahar	03+00+00	Seçmeli	3	5
Akademik Birim:	Moleküler Biyoloji ve Genetik					
Öğrenim Türü:	Örgün Eğitim					
Ön Koşullar	Yok					
Öğrenim Dili:	İngilizce					
Dersin Düzeyi:	Lisans					
Dersin Koordinatörü:	- -					
Dersin Amacı:	Bu dersin amacı proteinin üç boyutlu yapısını ortaya çıkartmak için kullanılan deneysel yöntemleri ve biyolojik olayların arkasında yatan mekanizmayı anlamak için protein verilerinin analizini anlatmaktır. Aynı zamanda, protein veri bankalarındaki bilginin elde edilme yöntemlerini ve analiz için kullanılan grafik görüntüleme tekniklerini tanıtmaktadır. Son olarak, proteinin iki ve üç boyutlu yapılarını hesaplamalı yöntemlerle tahmin eden algoritmaları ve ilaç tasarım tekniklerini ayrıntılı olarak ele almaktadır.					
Dersin İçeriği:	İlk derste protein yapısının temelleri verilmektedir. Proteinin üç boyutlu yapısını ortaya çıkartmak için kullanılan X-ışını kristalografi ve NMR gibi deneysel yöntemler ve Protein Veri Bankası'ndan protein yapısı ile ilgili verilerin çekilmesi gösterilmektedir. PyMOL ve VMD gibi grafik görüntüleme yöntemleri tanıtılmaktadır. Proteinin iki boyutlu yapısının tahmini, ayrıca homoloji modelleme gibi yöntemlerle üç boyutlu yapıyı tahmin etme yöntemleri ayrıntılı bir şekilde ele alınmaktadır. Son olarak, protein-protein ara yüzey bölgeleri, protein-ligand ve protein-protein doking algoritmalarından bahsedilmektedir.					
Dersin Öğrenme Çıktıları (ÖÇ):	<ul style="list-style-type: none">1- Protein yapısının temelleri hakkında bilgi sahibi olmak2- X-ışını kristalografi ve NMR yöntemlerini anlamak3- Protein veri bankalarını taramak ve bilgi çekebilmek4- VMD ve PyMOL gibi grafik görüntüleme tekniklerini kullanabilmek5- Proteinin iki boyutlu yapısını tahmin eden algoritmalar hakkında bilgilenmek6- Proteinin yapısından işlevi hakkında bilgi edinebilmek7- Protein-protein arayüzey bölgelerini tahmin edebilmek8- Homoloji modelleme, fold tanımı ve ab initio tekniklerini kullanabilmek9- Protein-ligand ve protein-protein doking yapabilmek					
Dersin Öğrenme Yöntem ve Teknikleri	İki ara sınav, bir final, ödevler ve sunular					

HAFTALIK PROGRAM

Hafta	Konular	Ön Hazırlık
1	Proteinin yapısı hakkında temel bilgiler	İlgili konunun okunması
2	Proteinin yapısı hakkında temel bilgiler	İlgili konunun okunması
3	X-ışını kristalografisi ve NMR teknikleri	İlgili konunun okunması
4	Protein Veri Bankası ve diğer yapı tabanlı veri bankaları	İlgili konunun okunması
5	Moleküler Görüntüleme Araçları: PyMOL ve VMD	İlgili konunun okunması
6	Ara Sınav I	İlk beş hafta anlatılan konuların tekrarı
7	VMD klavuzundan çalışma	İlgili konunun okunması
8	VMD klavuzundan çalışma	İlgili konunun okunması
9	Sekonder yapının tahmin edilmesi	İlgili konunun okunması
10	Protein işlevinin protein yapısına bakılarak tahmin edilmesi	İlgili konunun okunması

11	Protein-Protein Arayüzeylerinin tahmin edilmesi	İlgili konunun okunması
12	Homoloji modelleme, Threading, ve ab initio teknikleri	İlgili konunun okunması
13	Ara Sınav II	Son altı hafta anlatılan konuların tekrarı
14	Doking ve Ligand tasarım teknikleri	İlgili konunun okunması

Kadir Has Üniversitesi'nde bir dönem 14 haftadır, 15. ve 16. hafta sınav haftalarıdır.

ZORUNLU ve ÖNERİLEN OKUMALAR

Structural Bioinformatics by P.E.Bourne and H. Weissig, 2nd edition, John Wiley & Sons, Inc.

DİĞER KAYNAKLAR

Essential Bioinformatics by J. Xiong, Cambridge University Press, 2006.
Bioinformatics and Functional Genomics by J. Pevsner, 2nd edition, Wiley-Liss 2009

DEĞERLENDİRME SİSTEMİ

Yarıyıl İçi Çalışmaları	Sayı	Katkı Payı (%)
Katılım	14	2
Proje	1	10
Ödev	8	18
Sunum/Jüri	1	5
Ara Sınavlar/Sözlü Sınavlar/Kısa Sınavlar	2	25
Final Sınavı	1	40
Total:	27	100

İŞ YÜKÜ HESAPLAMASI

Etkinlikler	Sayısı	Süresi (saat)	Toplam İş Yüğü (saat)
Ders Saati	14	3	42
Proje	1	15	15
Ödev	8	2	16
Sunum/Jüriye Hazırlık	1	7	7
Ara Sınavlar/Sözlü Sınavlar/Kısa Sınavlar	2	15	30
Final Sınavı	1	15	15
Toplam İş Yüğü (saat):			125

1 AKTS = 25 saatlik iş yükü

PROGRAM YETERLİLİKLERİ (PY) ve ÖĞRENME ÇIKTILARI (ÖÇ) İLİŞKİSİ

#	PY1	PY2	PY3	PY4	PY5	PY6	PY7	PY8
OC1								
OC2								
OC3								
OC4								
OC5								
OC6								
OC7								
OC8								
OC9								

Katkı Düzeyi: 1 Düşük, 2 Orta, 3 Yüksek